



Рис. 2. Выравнивание гипотетических аминокислотных последовательностей AP2 ДНК-связывающего домена белка DREB1 *Thinopyrum bessarabicum* (строки 1-3), *Pseudoroegneria stipifolia* (строка 4), *P. spicata* (строки 5-6), *Dasyphyrum villosum* (строка 7), *Th. intermedium* (строки 8-13), *Th. ponticum* (строки 14-29) и субгеномов А, В и D мягкой пшеницы (три нижние строки). Стрелками указаны полиморфные аминокислоты в AP2-домене; зеленым цветом выделены аминокислотные остатки, которые взаимодействуют с GCC-боксом, красным — замена по одному такому аминокислотному остатку; звездочками указаны аминокислоты, важные для DRE-специфического связывания.