



Рис. 2. Выравнивание последовательностей ДНК *Candidatus Phytolasma solani* из базы данных GenBank NCBI (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/BLAST>) с последовательностями, полученными в результате секвенирования ДНК зараженных образцов винограда с помощью праймеров на ген *SecY*. Выравнивания получены в программе Unipro UGENE (Россия) версия 1.31.1, белой рамкой выделена зона посадки прямого праймера *BN_F*. *Phytolasma solani* 1-6 — образцы, собранные в шести различных местах произрастания.